

# 次世代シーケンスサービス 一覧

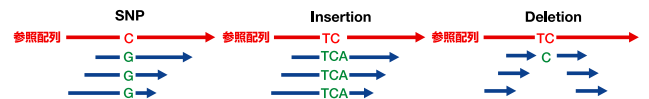
## トランスクリプトーム解析



対応機種 NovaSeq6000, DNBSEQ

例えばNovaSeq6000相乗りなら、6~9週間で納品

## ゲノム解析



対応機種 NovaSeq6000, HiSeq X, DNBSEQ

例えばNovaSeq6000/HiSeq Xなら、6~10週間で納品

## de novo トランスクリプトーム解析

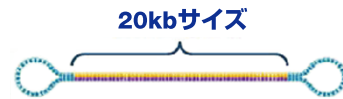


新規遺伝子1 新規遺伝子2 新規遺伝子3

対応機種 NovaSeq6000, DNBSEQ

例えばNovaSeq6000相乗りなら、6~9週間で納品

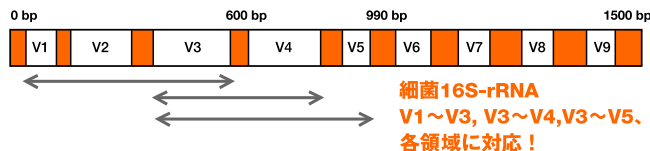
## de novo ゲノム解析



対応機種 PacBio Sequel/Sequel II

20kbサイズを目安に可能な限り大きなライブラリサイズ

## 16S メタゲノム解析

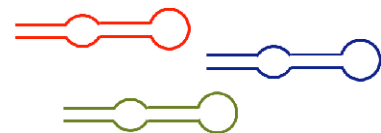


細菌16S-rRNA  
V1~V3, V3~V4, V3~V5,  
各領域に対応!

対応機種 MiSeq

2x300bp, 平均16~18万リード/sampleで納期6~8週間

## miRNA-Seq 解析



対応機種 NovaSeq6000

1x75bp, 期待リード数平均8Mread/sampleで納期6~8週間

### その他にも

- 調製済みライブラリーシーケンス解析、(研究用) SARS-CoV-2 次世代シーケンシング解析
- 対応機種もDNB-Seq、NanoPoreと幅広く対応が可能
- 核酸抽出、サンプルQC、ライブラリ調製のみで依頼も可能  
お気軽にご相談ください。



詳細はこちら

## ジェノタイピング研究 サポートサービス



## その他にも

- プライマー・蛍光プローブ合成
- RAPDマーカー
- (DNAフラグメント解析—準備中)

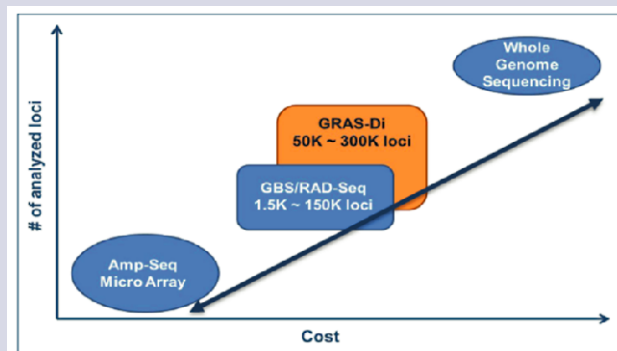


詳細はこちら

## GRAS-Di® 技術によるゲノム解析

## コスト良く、迅速なマーカー探索、マーカー選抜、QTL解析、連鎖地図作成等をサポート

- 大規模にマーカー探索を行いたいけど、サンプル数も多く、予算にも限りがある
- GBSやRAD-Seqをこれまでも試してみたが、期待するほどマーカー数が得られなかった
- 将来的にはターゲットを絞ってアンプリコンシーケンスを行いたいので、まずは候補マーカーを数多く得ておきたい



詳細はこちら

ユーロフィンジェノミクス株式会社  
次世代シーケンスサービス

●お問い合わせ●

〒101-0065 東京都千代田区西神田3-8-1 千代田ファーストビル東館12F

TEL:03-6631-0106 E-mail:ngs-jp@eurofins.com

●サンプル送付先●

〒143-0003 東京都大田区京浜島 3-5-5 日通京浜島センター新棟2F

代理店