

生体細胞内における遺伝子やタンパク質の網羅的解析

# ご指定の領域における 空間プロファイリング解析サービス

スタンダード  
コース  
198万円

2つのコースご案内

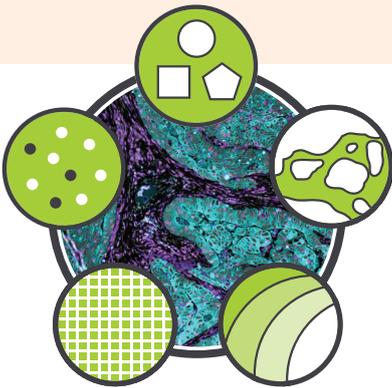
プラチナコース

スタンダードコース

空間プロファイリング解析とは ▶▶▶ 空間の特定領域における標的の網羅的解析

	IHC, ISH	NGS	空間トランスクリプトーム
網羅的な解析	× (特定の標的物質のみ)	●	●
組織上の空間分布	●	×	●

指定の領域でRNAやタンパク質が  
どのようにどのくらい発現されているか



## ■ 当社の空間プロファイリング解析

- 空間トランスクリプトミクス及び空間プロテオミクスの形態学的な情報を提供
- 関心領域における局所の遺伝子発現を目的に応じてプロファイリング
- 癌の微小環境における遺伝子発現の解析に最適
- 1枚~数枚のFFPEで解析可能
- 解析可能パネル数: タンパク質(ヒト:140以上 マウス:130以上)  
RNA(ヒト:18,000以上 マウス:22,000以上)

### 解析に必要なFFPE1スライド例

1スライドに1組織



1スライドに複数組織



TMA



- 左図のように、規定範囲内であれば1スライド上に載せる切片の数は自由です。
- 弊社では、スライド作製・TMA作製も行っています。

## ■ 当社の2つのコースについて (解析内容・ご予算に応じて2つのコースを選択できます)

### プラチナコース

- 多数のスライドを解析を希望
- 指定領域を代表的なリンパ球や上皮マーカーのみならず様々なマーカーで細かく確認したい
- 多数の指定領域を解析してほしい
- Volcano Plotなど詳細解析等も希望

### スタンダードコース

- 1枚のスライドで解析
- 代表的なリンパ球や上皮マーカーで指定領域を確認したい
- 指定領域は限られた数のみ希望
- 単サンプル・小解析により、できるだけ低コストで解析費用を抑えたい

## ■ プラチナコースおよびスタンダードコース詳細

	プラチナコース	スタンダードコース <sup>*1</sup>
パネル	RNA の解析パネル Whole Transcriptome Atlas (ヒト / マウス) Cancer (ヒト / マウス / イヌ)  タンパク質解析パネル 免疫 (ヒト / マウス) 神経 (ヒト / マウス)	RNA の解析パネル Whole Transcriptome Atlas (ヒト / マウス)
1 アッセイ	4 スライド	1 スライド～
ご提出サンプル <sup>*2</sup>	HE スライド 1 枚 未染色スライド (1 枚 + 予備 1 枚) × 検体数	HE スライド 1 枚 未染色スライド 1 枚 + 予備 1 枚
未染色スライド上の ROI 染色	PanCK、CD45、Nuclei の他、ご指定のマーカーも可能 Nuclei を含む計 4 種まで 別途条件検討も実施可能	PanCK、CD45、Nuclei のみ
1 スライドあたりの解析数 (ROI <sup>*3</sup> 数)	22 か所	22 か所
解析及び納品時 技術者打ち合わせ	〈打ち合わせ例〉 • 抗体・条件検討のご提案 • ROI 設定のアドバイス・ご提案 • 詳細データ解析のサポート • データ内容の詳細説明	— (左記ご希望の場合は、費用別途オプション・応相談)
納品	DCC ファイル ROI の位置が入った蛍光画像 (PNG ファイル) Cluster 解析 (3 比較まで) Volcano 作成 (3 比較まで)	DCC ファイル ROI の位置が入った蛍光画像 (PNG ファイル)
解析	Cluster 解析 (3 比較まで) Volcano 作成 (3 比較まで)	— (左記ご希望の場合は、費用別途オプション・応相談)

\*1 スタンダードコースは、複数のお客様の検体を同時に解析いたします。お申し込みから3ヶ月経過時点で弊社に3スライド以上の申し込みがない場合は自動的にキャンセルとなりますので、必要に応じて再度のお申込みをお願いします。

\*2 HE 染色スライドに解析ご指定領域をマーカーしてください(このご指定領域がROIの参考になります)

\*3 ご指定領域・関心領域

## ■ GeoMx™による発現解析での報告例 300以上の論文実績

- 非小細胞性肺癌患者の腫瘍細胞と免疫細胞それぞれにおけるタンパク質のプロファイリング<sup>1)</sup>
- 中咽頭原発腫瘍手術を受けた患者の腫瘍周囲リンパ系および腫瘍領域の遺伝子発現プロファイリング<sup>2)</sup>
- SARS-CoV-2 感染させた急性肺損傷モデルマウスの、調節不全となっている修復および繊維化シグナルを特定及び繊維化促進マーカーの局所的な発現増加<sup>3)</sup>
- Inpp5d ノックアウトマウス脳による、大脳皮質と海馬毎のブランク陽性と陰性のWTA 解析<sup>4)</sup>
- すい臓がん患者の正常部分、前病変部分および腫瘍部分それぞれにおける RNA のプロファイリング<sup>5)</sup>

1) M outafi M K, et al. J Immunother Cancer 2022;10:e004757

2) N aohiro Wakisaka, et al. FrontAm J Pathol 2023 May 9;50002-9440(23)00167-0.

3) S ci Transl Med. Published online 2022 Jul 7. doi: 10.1126/scitranslmed.abo5070

4) J ournal of Alzheimer's Dement. 2022;1-1 D OI: 10.1002/alz.12849

5) H ao Yang, et al. Front. Immunol., 28 July 2022;13:961457.



解析装置: NanoString 社 GeoMx™

- 複数のスライドで詳細な解析を希望される方にはフルサポートで対応いたします。
- 初めての空間プロファイリングで、まずは単サンプル・小解析をご希望される方は、お客様の投資を抑えたご予算で対応いたします。

お気軽にお問い合わせください

ユーロフィンジェネティックラボ株式会社

〒060-0009 北海道札幌市中央区北9条西15丁目28-196

TEL: 011-644-7342 FAX: 011-624-7104

e-mail: sales@gene-lab.com

©Eurofins Clinical Testing Services Japan 2024 GO-001